

M. V. Cubellis
Programma di
Biochimica informatica

Programma sintetico (sillabo, *max 500 caratteri*):

banche dati specializzate:

banche dati per enzimi BRENDA,

per pattern PROSITE,

per profili PFAM,

per famiglie strutturali CATH e SCOP,

per geni e proteine associate a malattia OMIM

ricerca di omologie mediante PSSM.

Ricerche avanzate con Blast mediante iterazioni

**Allinamento di proteine a sequenza nota a sequenze di proteina a struttura nota mediante
matrici di punteggio ambiente specifico**

Costruzione di modelli

Validazione di modelli

Programmi per l'analisi di strutture proteiche

Sovrapposizione di strutture proteiche.

Accenno a metodi docking

DS visualizer