Corso di Studio BIOLOGIA	Insegnamento	Laurea Magistrale	A.A. 2017/2018
Docente: Prof. Alberto Di Donato	2 081-679	79143 email: alberto.dido	onato@unina.it
SSD BIO10 Insegnamenti propedeutici previs	CFU 8 ti: NESSUNO	Anno di corso (I, II , III)	Semestre (I , II e LMcu) II
RISULTATI DI APPRENDIMENTO	ATTESI		
Conoscenza e capacità di compre	nsione (max 4 righi, Arial 9))	
Conoscenze dei principi biologici e ch illo studio delle metodologie bioinform Knowledge of the biological and phy given to bioinformatic techniques.	natiche per la previsione della	a struttura delle macromolecole	ŕ
Conoscenza e capacità di compre	nsione applicate (max 4 rig	hi, Arial 9)	
Capacità di comprensione ed applicat Ability to understand the principles of			
Eventuali ulteriori risultati di appr	endimento attesi, relativame	ente a:	
		ecessari per consentire agli studen erà inoltre le proprie capacità in r	
presentare o riassumere i	n maniera completa ma con	pare a persone non esperte le no cisa i risultati raggiunti utilizzando termini propri della disciplina e a	correttamente il linguaggio

principi, i contenuti e le possibilità applicative con correttezza e semplicità.

Corso di Studio BIOLOGIA	Insegnamento	Laurea Magistrale	A.A. 2017/2018
Capacità di apprendimento: Lo attingendo in maniera autonoma la capacità di seguire seminari sp	a testi, articoli scientifici propri d	el settore, e deve poter acqui	
Making judgements: Students v scientific literature. The student w			
Communication abilities: The stu- present and summarize his result		ate his knowledge to non expo	erts. He will learn how to
Knowledge ability: The student we by attending specialistic seminars		knowledge on books and sci	entific papers, as well as
PROGRAMMA			
La struttura delle proteine: I livelli di organi: conformazionali delle catene polipeptidiche c terziarie e i domini. I metodi per la determina: bioinformatica: i metodi per l'individuazione d folding delle proteine in vitro e in vivo. Topog II meccanismo di funzionamento degli en enzimatica. Cinetica dello stato stazionario. I e processi che determinano la velocità. L' en dell'energia di legame nella catalisi . 2 CFU Ingegneria proteica: Metodologie di base, v mutagenesi . 1 CFU	on particolare riguardo alle struttu zione della struttura tridimensiona lell'omologia e per la predizione d enesi e modificazioni post-traduz zimi: I principi della catalisi chimi Rappresentazioni grafiche e sign ergia di legame tra enzimi e subs	ure secondarie. I motivi struttu ale: diffrazione ai raggi X e NN delle strutture proteiche. L'evo ionali delle proteine. 5 CFU ica. Le equazioni fondamenta ificato dei parametri K _M , k _{cat} , k trati. Complementarità enzima	urali delle strutture MR. Principi di Iluzione delle proteine. Il Ii della cinetica Kcat/KM. Costanti di velocit a-substrato ed uso

CONTENTS

1. Protein structure: Organizational levels of protein structure. Forces involved in maintenance of protein structure. Conformational properties of a polypeptide chain with special focus on secondary structures. Structural motifs of tertiary structures and protein domains. Methods for the determination of the 3D structure of proteins: X ray diffraction and NMR. Bioinformatic principles: methods for detecting homology and for the prediction of protein structure. Evolution of proteins. *In vitro* and *in vivo* folding of proteins. Topogenesis and post-translation modifications of proteins. 5 CFU

The mechanism of enzyme action: The principles of chemical catalysis. Basic equations of enzyme catalysis. Steady-state kinetics Kinetic plots. The meaning of K_M , k_{cat} , k_{cat} / K_M . Kinetic constants and rate-determining processes. Binding energy between enzymes and substrates. Enzyme-substrate binding energy and its use in catalytic processes. 2 CFU

Protein engineering: Basic methods, cloning vectors. Heterologous proteins expression in prokaryotes. Expression vectors. Mutagenesis techniques. 1 CFU

MATERIALE DIDATTICO

- Duranti Introduzione allo studio delle proteine Zanichelli
- Petsko & Ringe Struttura e funzione delle proteine Zanichelli
- Creighton Proteins Freeman
- Berg JM, Tymoczko JL, Stryer L Biochimica- VII edizione Zanichelli
- Fersht Struttura e meccanismi d'azione degli enzimi Zanichelli (NB non più disponibile dall'Editore)
- Boncinelli Simeone Ingegneria Genetica Idelson
- Pascarella-Paiardini Bioinformatica Zanichelli
- Tramontano Bioinformatica Zanichelli

Corso di Studio BIOLOGIA	Insegnamento	Laurea Magistrale	A.A. 2017/2018
-----------------------------	--------------	-------------------	----------------

FINALITA' E MODALITA' PER LA VERIFICA DI APPRENDIMENTO

- A) L'esame di fine corso mira a verificare e valutare il raggiungimento degli obiettivi didattici relativi agli argomenti riportati in grassetto nel programma.
- B) Durante la prova finale lo studente verrà interrogato sugli argomenti indicati nella sezione "domande di esame più frequenti". Sarà oggetto di valutazione il grado di completezza della risposta, il livello di integrazione tra i vari contenuti del corso e l'appropriatezza scientifica del linguaggio. Il raggiungimento da parte dello studente di una visione organica dei temi affrontati a lezione, congiunta alla loro utilizzazione critica, la capacità di fare collegamenti, la dimostrazione del possesso di una padronanza espressiva e di linguaggio specifico saranno valutati con voti di eccellenza. La frequenza assidua e la partecipazione alle attività in aula saranno considerati elementi positivi di valutazione.

PURPOSES AND MODALITIES OF LEARNING VERIFICATION

- A) The final exam is aimed to verify and evaluate the achieving of educational targets concerning the subjects that are highlighted in bold in the contents.
- B) During the final test the student will be asked about the subjects indicated in the section "frequently asked questions during exam". The degree of completeness of the answer, the level of integration between the different topics of the course and the scientific suitability of the speech will be assessed. The achievement of comprehensive view of themes mentioned during lessons, together with their critical utilization, the ability of making connection, the proof of possession of language skills, will be evaluated with excellent scores. The score will be given also taking into account the frequent attendance to the course and the participation in the classroom activities.

Modalità di esame:

L'esame si articola in prova	Scritta e orale	х	Solo scritta		Solo orale	
The exam will be:	Written and oral	х	Written	Written		
	·					
In caso di prova scritta i quesiti sono (*)	A risposta multipla	х	Risposta libera		Esercizi numerici	
Written exam will be based on:	Multiple choice test	Х	Free answer		Numerical exercises	

DOMANDE D'ESAME PIU' FREQUENTI

- Modificazioni post-traduzionali delle proteine
- Vettori di clonaggio
- Domini strutturali delle proteine
- Il Proteasoma
- Vettori di espressione
- Il sistema dell'ubiquitina
- Promotori ed espressione
- Il ruolo delle interazioni idrofobiche nella struttura delle proteine
- L'evoluzione delle proteine
- La struttura secondaria delle proteine
- Enzimi di restrizione
- Metodi di ottimizzazione di strutture cristallografiche
- Il concetto di omologia
- Metodi di allineamento di strutture
- Metodi di mutagenesi
- NMR di proteine
- Costruzione di alberi filogenetici
- Principi della diffrazione ai raggi X
- Il folding delle proteine
- Proprietà conformazionali delle catene polipeptidiche
- Proteine a struttura alfa

Corso di Studio BIOLOGIA		Insegnamento	Laurea Magistrale	A.A. 2017/201
BIOLOGIA	ĺ	ognaonto		741741 2011720

- Chaperonine
- Vettori di secrezione
- PDI e PPI
- Vettori per proteine di fusione
- Ottimizzazione della espressione delle proteine
- Espressione in cellule procariotiche
- Topologia delle proteine

FREQUENTLY ASKED QUESTIONS DURING EXAM

- Post-translational modifications of proteins
- Cloning vectors
- Structural domain of proteins
- Proteasome
- Expression vectors
- Ubiquitin
- Promoters and protein expression
- Hydrophobic interactions in maintenance of protein structure
- Protein evolution
- The secondary structure of proteins
- Restriction enzymes
- X ray structures optimization methodologies
- Homology concept
- Structure alignment methods
- Mutagenesis methodologies
- NMR of proteins
- Phylogenetic trees construction
- Principles of X ray diffraction
- Protein folding
- Conformation properties of polypeptide chains
- Alfa structures in proteins
- Molecular chaperons
- Secretion vectors
- PDI and PPI
- · Vectors for fusion proteins
- Optimization of protein expression
- Expression in prokaryotes
- Topology of proteins